aviesan
alliance nationale
pour les sciences de la vie et de la santé
ITMO Génétique, génomique et bio-informatique (GGB)

Photo W. Thomas

ifb
Institut Français de Bioinformatique

9ème Ecole de bioinformatique AVIESAN – IFB – Inserm (2020)

Traitement des données de génomique obtenues par séquençage à haut débit

4-9 octobre 2020, Station Biologique, Roscoff (http://www.sb-roscoff.fr/)

Objectifs

La formation s'adresse à des biologistes directement impliqués dans des projets "**Next Generation Sequencing**" (**NGS**). Cette édition de l'école aborde les nouveaux enjeux technologiques: elle s'articulera autour de trois ateliers thématiques en session parallèle (**RNA-seq**, **ChIP-seq**, **variants DNA-seq**), et inclura une introduction à l'**intégration des données**, une ouverture aux approches "**single-cell**" ainsi qu'aux technologies "**long reads**".

L'école vise à introduire les concepts, à manipuler les outils informatiques et à en interpréter les résultats. Elle est basée sur une alternance de courtes sessions théoriques et d'ateliers pratiques. Les participants bénéficieront d'un tutorat personnalisé pour élaborer leur plan d'analyse, et effectuer les premières étapes de traitement de leurs propres données ou de celles de leur équipe.

Attention : le tutorat n'a pas pour vocation de réaliser l'analyse complète des données des participants.

Public visé

Cette formation est destinée aux biologistes (ingénieurs, doctorants, chercheurs, enseignants-chercheurs, praticiens…) confrontés à l'analyse de données NGS, et qui ne disposent pas des compétences bioinformatiques suffisantes.

Environnement de travail

L'ensemble de la formation reposera sur l'utilisation de commandes en ligne (terminal **Linux**) et du langage **R**.

Prérequis

Une autoformation en ligne aux tout premiers éléments de Unix et R est requise, sur base de matériel fourni par l'école.

Modalités d'inscription

Date limite de pré-inscription : 30 mars 2020 (sélection des participants : mi-avril 2020). Chaque année la demande dépasse de loin notre capacité d'accueil (40 places), le comité d'organisation sélectionnera les participants d'après les informations renseignées dans le formulaire d'inscription. Le degré de maturité du projet scientifique impliquant l'analyse de données de séquençage sera un des critères d'évaluation (voir le site Web pour la liste des critères).

Renseignements : ecole-bioinfo@aviesan.fr
Informations et inscriptions : http://www.france-bioinformatique.fr/ebaii2020
Compte twitter : https://twitter.com/EBAI_Roscoff
Frais d'inscription : 800€ HT pour les académiques et EPIC; 2500€ HT pour les industriels.
L'hébergement et la restauration sont inclus.

Coordination scientifique : Erwan Corre (CNRS), Jacques van Helden (IFB), Matthias Zytnicki (INRA), Rachel Legendre (Institut Pasteur).

Formateurs et tuteurs : Une trentaine de formateurs et tuteurs provenant des organismes et universités suivants: CNRS, INRA, Inserm, Institut Curie, Institut Pasteur, Institut Gustave Roussy, ENS, Aix-Marseille Université, Sorbonne Université. Avec le soutien de l'Institut Français de Bioinformatique (IFB) et d'AVIESAN (Alliance Nationale pour les Sciences de la Vie et de la Santé).

Plateformes : IFB core (Evry), ABiMS (CNRS/Sorbonne Université, Roscoff), IGBMC (CNRS/Inserm/Université de Strasbourg), Migale (INRA Jouy en Josas).

Coordination administrative : Aviesan ITMO GGB, Inserm, IFB.

Numéro de déclaration de l'Inserm - organisme de formation : 11754553375

Inserm
La science pour la santé
From science to health